Introduction au logiciel R Formation doctorale

Cyril Dalmasso cyril.dalmasso@univ-evry.fr

Laboratoire de Mathéamatiques et Modélisation d'Evry (LaMME) Université Paris-Saclay, CNRS, Université d'Evry

13 - 15 juin 2022

Présentation générale

Structures de données

Entrés, sorties et graphiques

Introduction à la programmation en ${\sf R}$

Compléments sur ggplot2

Présentation générale

Qu'est-ce que R?

- ▶ R est un logiciel de développement scientifique spécialisé dans le calcul et l'analyse statistique de données.
- R est aussi :
 - un langage (dérivé du langage S développé par John Chambers au sein des laboratoires Bell en 1975)
 - un environnement
 - un projet open source (projet GNU)
 - un logiciel multi-plateforme (Linux, Mac, Windows)

Principales fonctionnalités

- Gestion des données (lecture, manipulation, stockage)
- ► Algèbre linéaire (opérations classiques sur les vecteurs, tabeaux et matrices)
- Statistiques et analyse de données (très grand nombre de méthodes d'analyse de données disponibles, des plus anciennes aux plus récentes)
- ► Moteur de sorties graphiques (sorties écran ou fichier)
- Système de packages/modules (alimenté par la communauté)
- Interface avec C/C++, Fortran,

Avantages et inconvénients de R

Avantages:

- ▶ Libre et gratuit
- ► Richesse des modules
- Souplesse
- Prise en main rapide (Syntaxe intuitive et compact)
- ► Développement rapide (langage de scripts)
- Nombreuses possibilités graphiques

Avantages et inconvénients de R

Inconvénients:

- Aide intégrée succincte
- Debugger un peu sec
- Code parfois illisible (compacité)
- ► Facile de mal coder
- ► Lent par rapport à C/C++
- Personnalisation des graphiques un peu lourde

Installation

Page du CRAN (Comprehensive R Archive Network) {http://cran.r-project.org/}



CRAN Mirrors What's new? Task Views Search

About R R Homepage The R Journal

Software R Sources R Binaries Packages Other

Documentation
Manuals
FAQs
Contributed

The Comprehensive R Archive Network

Download and Install R

Precompiled binary distributions of the base system and contributed packages, **Windows and Mac** users most likely want one of these versions of R:

- · Download R for Linux (Debian, Fedora/Redhat, Ubuntu)
- Download R for macOS
- · Download R for Windows

R is part of many Linux distributions, you should check with your Linux package management system in addition to the link above.

Source Code for all Platforms

Windows and Mac users most likely want to download the precompiled binaries listed in the upper box, not the source code. The sources have to be compiled before you can use them. If you do not know what this means, you probably do not want to do it!

- • The latest release (2021-05-18, Camp Pontanezen) R-4.1.0.tar.gz, read what's new in the latest version.
- Sources of R alpha and beta releases (daily snapshots, created only in time periods before a planned release).
- Daily snapshots of current patched and development versions are available here. Please read about new features and bug fixes before filing corresponding feature requests or bug reports.
- · Source code of older versions of R is available here.
- Contributed extension packages

Ouestions About R

 If you have questions about R like how to download and install the software, or what the license terms are, please read our <u>answers to</u> frequently asked questions before you send an email.

Premiers pas (mode console)

Lancement de R :

R version 3.4.3 (2017-11-30) -- "Kite-Eating Tree"
Copyright (C) 2017 The R Foundation for Statistical Computing
Platform: x86_64-apple-darwin15.6.0 (64-bit)

R est un logiciel libre livré sans AUCUNE GARANTIE. Vous pouvez le redistribuer sous certaines conditions. Tapez 'license()' ou 'licence()' pour plus de détails.

R est un projet collaboratif avec de nombreux contributeurs. Tapez 'contributors()' pour plus d'information et 'citation()' pour la façon de le citer dans les publications.

Tapez 'demo()' pour des démonstrations, 'help()' pour l'aide en ligne ou 'help.start()' pour obtenir l'aide au format HTML. Tapez 'q()' pour quitter R.

>

Premiers pas (mode console)

▶ R est un interpréteur de commandes (pas de compilations)

2+2

▶ Plusieurs commandes/instructions peuvent être écrites sur une même ligne (séparées par ';').

2+1;3*7

► Tout ce qui suit le symbole # est ignoré (il s'agit d'un commentaire)

2+1 # ceci est une addition

Premiers pas (mode console)

La plupart des instructions sont des fonctions appliquées à d'autres objets. La syntaxe est toujours nomdelafonction(argument1,argument2,...)

```
log(2,base=2)
```

Quitter R:

q()

Tout environnement sauvé lors de la fermeture est rouvert au démarrage de la session suivante \Rightarrow Atention à ne pas saturer la mémoire

Trouver de l'aide

Dans la console

- ▶ help(str) ou ?str: lance l'aide associée à la commande str,
- help.search("factorial"): cherche les commandes contenant le mot-clé factorial,
- help.start(): lance l'aide HTML.

?str

Par l'onglet "Help" de Rstudio

Sur le Web

Trouver de l'aide

Remarque

Pour obtenir un descriptif détaillé de chacune des fonctions citées dans ce document, consulter la page d'aide correspondante.

Les packages

Les packages sont des codes qui peuvent être inclus pour étendre les fonctionnalités de R

Installation

- Avec la fonction install.packages
- Avec des fonctions spécifiques (exemple : Bioconductor).

Chargement

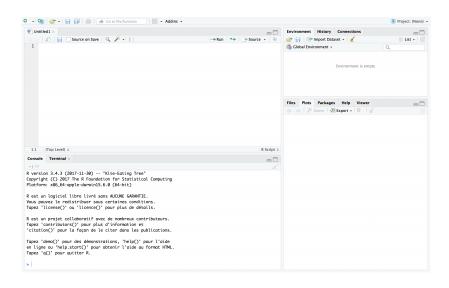
- Avec la fonction library
- ► La fonction require permet de tester si un package est chargé et le charge si ce n'est pas le cas

R-studio

► R-studio est un environnement de travail intégré {https://www.rstudio.com/}



R-studio



R-studio- Editeur de script

- Il est préférable d'entrer les commandes dans l'éditeur de script
- ▶ et de sauvegarder le script
- envoyer la ligne actuelle ou le texte sélectionné à la console R à l'aide du raccourci Ctrl-Entrée

R Markdown- Le langage R Markdown

R Markdown offre une syntaxe simplifiée pour mettre en forme des documents contenant à la fois du texte, des instructions R. Cet outil permet de produire des rapports d'analyse détaillés et commentés.

Installer knitr

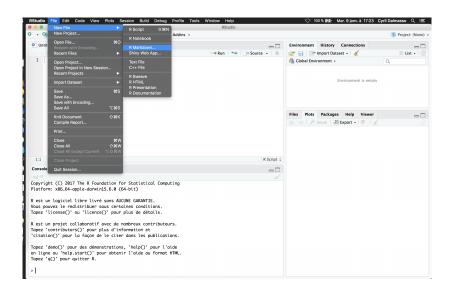
Dans la console

install.packages('knitr')

Par le menu

Tools -> Install Packages

R Markdown- Créer un fichier de type Rmarkdown (.Rmd)



R Markdown - YAML

Création du fichier avec une entête dite yaml qui précise comment peut être transformé le fichier.

```
title: "An Example Using the Tufte Style"
author: "John Smith"
output:
   tufte::tufte_handout: default
   tufte::tufte_html: default
---
```

R Markdown - Code chunks

Exemple:

Organiser un projet R - Sans R-studio



Figure 1: Arborescence type

Créer un répertoire par projet

- sauvegarde des données : save.image(file = "f.RData")
- sauvegarde des instructions : savehistory(file =
 "f.Rhistory")

Organiser un projet R - Avec R-studio

Utiliser le menu: File -> New Project...

Exercice

Créer un fichier Rmarkdown qui produira une sortie .pdf avec un code chunk de votre choix

Structures de données

Structures de données

- ► Variables de types élémentaires
- Vecteurs
- Facteurs
- Matrices
- Listes
- ► Tableaux de données

Déclaration/affectation d'une variable

▶ l'opérateur usuel est '<-' (signe inférieur suivi de moins)

```
x <- "test"
```

▶ l'opérateur '=' (déconseillé)

```
y = 56
```

autre possibilité : la commande assign

```
assign("z",-pi) # ne pas oublier "'
```

Remarques

- L'instruction 'y <- 56' consiste à asigner la valeur '56' à l'objet nommé 'y' : rien ne s'affiche.
- Pour afficher l'objet 'y', il faut utiliser la commande 'y' (ou bien 'print(y)')
- Attention à ne pas écraser un objet préexistant lors d'une assignation

Type, mode et classe

- ▶ Mode : Le mode détermine la structure de base (unique) d'un objet.
 - objets atomiques: character, numeric, logical, complex
 - objets recursifs: list, function, ...

Type, mode et classe

► Type : Le type détermine la structure interne (à R) d'un objet. 'Type' et 'mode' sont généralement identiques.

Exceptions :

type	mode		
double	numeric		
integer			
special	functions		
builtin			
symbol	names		
language	call		

Type, mode et classe

- Classe: La classe d'un objet permet de déterminer la façon dont les fonctions génériques (plot, summary, etc) vont se comporter (programmation orientée objet). Si aucune classe particulière n'est définie, la classe d'un l'objet correspond à son mode.
 - list, matrix, data.frame, factor, ...

Valeurs spéciales, réservées par R

- ► TRUE/ FALSE, indicateurs logiques
- ► NA ('Not Available'), valeurs manquantes
- NaN ('Not a Number'), résultat numérique aberrant
- ▶ Inf et -Inf, plus et moins ∞ , de type double
- NULL, l'objet nul, de type NULL

Exemples:

```
c(4,NA,1)
0/0
1/0
names(1)
```

```
Manipulation de variable atomique numérique
Opérateurs arithmétiques élémentaires '+', '-', '/', '*'
2+2
2*6
5/2
1 - 4
Ainsi que ^, \%, \%, \%, abs, log, exp, log10, sqrt, cos, tan, sin
3^2
5%%2
5%/%2
log(1)
sqrt(4)
cos(pi)
```

Manipulation de variable atomique logique

Opérateurs logiques élémentaires '&', '|', '==', '!=', 'xor'

```
x <- TRUE; y <- FALSE
x|y
x&y
x==y
x!=y
xor(x,y)</pre>
```

Variables de types élémentaires

Manipulation de chaîne de caractères

- Les châines de caractères sont toujours notées entre ""
- Opérations élémentaires:

'paste', 'substr', 'strsplit', 'sub' et bien d'autres

```
x <- "Hello"; y <- "world"
paste(x,y)
paste(x,y,sep="")
substr(x,2,4)
strsplit(x,"1")</pre>
```

Variables de types élémentaires

Tester le type d'une variable

Les fonctions de format is.xx permettent de tester le mode/type d'une variable

```
is.numeric(pi)
is.integer(pi)
is.double(pi)
is.character(pi)
is.na(pi)
is.null(pi)
```

Variables de types élémentaires

Convertir une variable

La fonction générique as.xx() et ses dérivées le permet

```
x <- 2
is.character(x)
x <- as.character(x)
is.character(x)
as.numeric("toto")
as.logical(sqrt(2))</pre>
```

Définition

Un vecteur est une collection d'entités de même nature

Propriétés

- objet le plus élémentaire sous R
- le mode d'un vecteur est défini par celui des entités qui le composent

Création par initialisation

avec les fonctions issues des types

```
x <- integer(3)
double(5)
character(2)
logical(6)</pre>
```

avec la fonction vector()

```
vector("integer",3)
vector("double",5)
vector("character",2)
vector("logical",6)
```

Création par concaténation

avec la fonction c()

```
x <- c(5,3,9,1)
y <- c("pim", "pam", "poum")
```

▶ Remarque : Si tous les éléments n'ont pas le même mode, la fonction c() effectue des convertions automatiques

```
z <- c(5,TRUE,"toto",1)
z
mode(z)</pre>
```

Création par génération de séquences

```
avec l'opérateur ': '
```

```
1:5
-1:5
1:-5
```

avec la fonction seq()

```
seq(1,5)
seq(1,5,by=0.5)
seq(1,5,length.out=12)
```

Création par répétition d'éléments

avec la fonction rep()

rep(1,3)
rep(NA,5)

Opérations arithmétiques

Les opérations arithmétiques s'effectuent terme à terme

```
x <- c(1,6,2); y <- c(3,4,-2)
x+y
x*y
x^y
```

 Lorsque les dimensions des deux vecteurs sont différentes, la longueur du vecteur le plus court est ajustée en recyclant les données

```
x <- c(1,6,2); y <- c(3,7)
x+y
```

Opérateurs mathématiques

Fonctions numériques élémentaires : floor(), ceiling(), round()

```
x <- c(1,2,-3,-4); y <- c(5,-6,9,0)
x/y
floor(x/y)
ceiling(x/y)
round(x/y)
round(x/y,digit=2)</pre>
```

Opérateurs mathématiques

► Fonctions arithmétiques élémentaires : abs(),log(), exp(), sqrt(), sin(), cos(), tan(),...

```
log(c(1,2,3))

abs(c(-1,5,-8))

exp(c(0,1))

sqrt(c(4,25,9,16))

sin(c(0,pi/2))
```

Opérateurs mathématiques

► Fonctions déterminant le minimum et le maximum terme à terme : pmin(), pmax()

```
x \leftarrow c(1,2,-3,-4); y \leftarrow c(5,-6,9,0)

pmin(x,y)

pmax(x,y)
```

Opérateurs mathématiques

Fonctions caractérisant un vecteur : length(), prod(), sum(), max(), min(), range(), cumsum(), diff(), cumprod(), ...

```
x \leftarrow c(1,2,-3,-4)
length(x)
prod(x)
sum(x)
max(x)
cumsum(x)
Attention: min(x,y) = min(c(x,y)) \neq pmin(x,y)
x \leftarrow c(1,2,-3,-4); y \leftarrow c(5,-6,9,0)
min(x,y)
pmin(x,y)
```

Opérateurs ensemblistes

fonctions unique(), intersect(), union(), setdiff(), setequal(), is.element()

```
x <- c("banane","citron","citron")
y <- c("orange","banane")
unique(x)
union(x,y)
intersect(x,y)
setdiff(x,y)
setequal(x,y)
is.element("orange",y)</pre>
```

Opérateurs logiques

```
    '&','|','==','!=','xor', '<', '>', '<=', '>='

x <- c(1,2,-3,0); y <- c(5,-6,9,0)

x==y # attention à ne pas taper x=y

x<y
x<=y</pre>
```

Nommer les éléments d'un vecteur

► La fonction names() permet d'attribuer des noms ou d'accéder aux noms des éléments d'un vecteur

```
x <- 1:3
names(x) <- c("pim", "pam", "poum")
x
names(x)</pre>
```

Indexation des vecteurs

L'indexation des vecteurs

- permet la sélection d'un sous-ensemble du vecteur
- permet d'affecter de nouvelles valeurs
- le sous-ensemble est spécifié entre crochets x[subset]

L'objet subset (dans x[subset]) est

- un vecteur logique (de même taille que x)
- un vecteur numérique d'entiers positifs corespondant aux indices des valeurs à inclure
- un vecteur numérique d'entiers négatifs corespondant aux indices des valeurs à exclure
- un vecteur numérique de chaînes de caractères donnant le nom des éléments à conserver

```
x <- c(-3,2,NA,5)
names(x) <- c("v1","v2","v3","v4")
# ou bien : names(x) <- paste("v",1:4,sep="")
x[c(1,4)]
x[-2]
x[!is.na(x)]
x[!is.na(x)&x>0]
x[c("v2","v3")]
```

Autres commandes d'indexation et de sélection

► Classer avec les fonctions sort(), order(), rank()

```
x <- sample(10:15); x # voir l'aide de 'sample'
sort(x)
order(x)
rank(x)</pre>
```

Extraire avec la fonction which()

```
which(x>12)
```

Rechercher des éléments dans un vecteur

► Fonctions match(),%in%, ...

```
x <- c(1,3,2,5,7); y <- c(4,5,1)
x%in%y
y%in%x
match(x,y)
match(y,x)</pre>
```

Fonctions statistiques élémentaires

moyenne (mean()), médiane (median()), variance (var()) et écart-type (sd())

```
x <- c(1,5,-2,9)
mean(x)
median(x)
var(x)
sd(x)</pre>
```

 La fonction summary() calcule plusieurs indicateurs numériques

```
summary(x)
```

Représentation graphique

▶ avec les fonctions barplot(), hist(), plot(), ...

```
x <- sample(1:10,replace=TRUE)
x <- rnorm(1000)
names(x) <- paste("v",1:length(x))
plot(x)
barplot(x)
hist(x)
boxplot(x)</pre>
```

Définition

Un facteur est un vecteur de variables catégorielles. Les niveaux du facteur peuvent être ordonnés ou pas.

Création

avec les fonctions factor(), as.factor()

```
factor(c(1,6,6,2))
as.factor(c(1,6,6,2))
factor(c(1,6,6,2),levels=1:6)
factor(c(1,6,6,2),levels=1:3)
factor(c(1,6,6,2),ordered=TRUE)
```

Un facteur est en fait un vecteur d'entiers muni d'un attribut levels

```
x <- factor(c(1,6,6,2)); x
attributes(x)
as.numeric(x)</pre>
```

Gestion des attributs

```
avec les fonctions levels(), nlevels(), relevel(),
table()
```

```
x <- factor(c(1.3,1.3,1.7,"manquante"))
x <- factor(c(1.3,6,6,2)); x
nlevels(x)
levels(x)
levels(x) <- c("faible","fort","moyen"); x
is.ordered(x)
x <- factor(x,levels=c("fort","moyen","faible"),ordered=TRU
table(x)</pre>
```

Les fonctions split() et tapply()

- ▶ La fonction split() découpe un vectreur x selon les valeurs d'un facteur y
- ▶ La fonction tapply() applique une fonction au vecteur x pour chaque catégorie du facteur y

Exemple : étude de la longueur des pétales d'iris en fonction de l'espèce

Représentation graphique

► avec la fonction plot()

plot(y)

Définitions

- Un tableau (array) est un vecteur muni d'un attribut dimension (dim) lui-même défini par un vecteur.
- ▶ Une matrice (matrix) est un tableau à deux dimensions.

```
y <- array(1:24,c(3,4,2)); y
x <- matrix(1:12,2,3); x
class(y); class(x)</pre>
```

Remarques

- Un objet array à deux dimensions est automatiquement converti en matrix
- Un vecteur auquel on ajoute un attribut dimension est automatiquement converti en array
- Par défaut, R range les éléments par colonne (argument byrow)
- Lors de la création d'un tableau, R recycle les éléments jusqu'à ce que les contraintes de dimension soient vérifiées

```
matrix(1:6,2,3)
matrix(1:6,2,3,byrow=TRUE)
matrix(1:5,2,3)
```

Dimensions

➤ On accède aux attributs de dimension d'un tableau à l'aide des fonctions dim(), ncol(), nrow()

```
x <- matrix(1:12,2,3); x
dim(x)
nrow(x)
ncol(x)</pre>
```

Opérateurs

- Etant donné qu'une matrice est un vecteur muni d'une dimension, la plupart des opérateurs vectoriels s'appliquent.
- Opérateurs matriciels usuels :
 - produit matriciel : %*%
 - produit scalaire : crossprod
 - transposée d'une matrice : t
 - diagonale d'une matrice : diag

```
x <- matrix(1:12,2,3)
diag(x)
diag(x) <- 1; x
t(x)
y <- matrix(runif(9),3,3)
y%*%(y^2)
crossprod(y,y^2)</pre>
```

Nommer les éléments d'une matrice

 Les fonctions rownames() et colnames() permettent d'accéder/attribuer des noms aux lignes et colonnes d'une matrice

```
x <- matrix(1:12,2,3); x
rownames(x) <- c("tic","tac")
colnames(x) <- c("pim","pam","poum")
x</pre>
```

Indexation

Même principe que pour les vecteurs, suivant chaque dimension (x[subset1,subset2])

```
x[2,3]
x[2,2:3]; x[2,-1]
x[2,]
x[x[,1]>1,]
x[,c("pim","poum")]
```

Concaténation

▶ avec les fonctions c(), cbind(), rbind()

```
a <- matrix(1,2,3); a
b <- matrix(2,2,3); b
c(a,b)
cbind(a,b)
rbind(a,b)</pre>
```

Exécuter une opération par ligne ou par colonne

► La fonction apply() est un outil très puissant

```
x <- matrix(1:12,2,3); x
apply(x,1,sum)
apply(x,2,mean)</pre>
```

Matrices

Représentations graphiques

▶ avec les fonctions contour(), persp(), image(), ...

```
?volcano
dim(volcano)
head(volcano)
volcano[1:3,1:5]
contour(volcano)
persp(volcano)
image(volcano)
filled.contour(volcano)
```

Matrices

Résolution de systèmes linéaires, inversion matricielle

La commande solve résout :

$$Ax = b$$

```
A <- matrix(c(4,2,8,-3),2,2)
b <- c(2,3)
solve(A,b)
```

Matrices

Autres fonctions pour l'algèbre linéaire

R dispose des outils classiques d'algèbre linéaire

- det: calcule le déterminant d'une matrice
- ▶ chol: factorisation de Cholesky ($A = C^T C$, avec A symétrique, C triangulaire supérieure)
- ▶ qr: factorisation QR (A = QR avec Q orthogonale, R triangulaire supérieure)
- eigen: calcule valeurs propres et vecteurs propres d'une matrice
- svd: calcule la décomposition en valeurs singulières.

Définition

Une liste est une collection d'objets hétérogènes. Elle est définie par la commande list.

```
maliste \leftarrow list(matrix(1:4,2,2), "toto", c(1,10,3))
names(maliste) <- c("pim", "pam", "poum"); maliste</pre>
maliste <- list(pim=matrix(1:4,2,2),pam="toto",</pre>
                  poum=c(1,10,3)); maliste
maliste <- list()</pre>
malistepim \leftarrow matrix(1:4,2,2); maliste
maliste$pam <- "toto"; maliste
maliste$poum \leftarrow c(1,10,3); maliste
```

Accéder aux éléments d'une liste

- On accède au i^{eme} élément de la liste x par indexation x[[i]] ou x[i]
- ➤ Si les éléments sont nommés, on peut accéder aux éléments en utilisant le nom : x[[nom]] ou x\$nom

```
maliste[[2]]
maliste[["pam"]]
maliste$pam
```

Dépiler une liste

► La fonction unlist() met à plat et simplifie en vecteur si possible

unlist(maliste)

Fonctions lapply() et sapply()

Les fonctions lapply() et sapply() permettent d'appliquer une fonction à chaque élément de la liste. Seule la présentation / organisation des résultats diffère (entre les deux fonctions)

```
lapply(maliste,length)
sapply(maliste,length)
```

Définition

Un tableau de données (data.frame) est une liste ayant certaines contraintes permettant de rassembler vecteurs et facteurs sous la forme d'un tableau.

Création

avec la fonction data.frame()

```
data.frame(tic=1:3,tac=c("pim","pam","poum"))
```

Remarques

- Un tableau de données peut être vu comme une matrice dont les colonnes peuvent être de modes différents
- C'est l'objet idéal pour manipuler et analyser des données.

Manipulations d'un tableau de données

Un data.frame se manipule comme une liste, mais aussi comme une matrice

```
x <- data.frame(tic=1:3,tac=c("pim","pam","poum"))
x[1:2,2]
x$tac[1:2]
x[["tac"]][1:2]</pre>
```

Remarque

Les chaînes de caractères sont généralement converties en facteurs. Attention lors de l'importation de données

```
x <- data.frame(1:3,c(4,"missing",5))
x
sum(x[1,])</pre>
```

Fonctions attach() et detach()

La fonction attach() (et la fonction detach()) place (et enlève) les éléments du tableau dans l'itinéraire de recherche

```
x <- data.frame(tic=1:3,tac=c("pim","pam","poum"))
tic
attach(x)
tic
detach(x)
tic</pre>
```

```
Fonctions stack() et unstack()
```

La fonction stack() (et la fonction unstack()) empile (et dépile) les colonnes d'un data frame

```
x <- data.frame(speed=c(4,4,7,7),dist=c(2,10,4,22)); x
stack(x)
y <- data.frame( tic=1:6, tac=rep(c("pim","pam","poum"),2))
y
unstack(y)</pre>
```

Fonction summary()

La fonction summary() réalise un résulé statistique adapté au type de chaque colonne

```
x <- data.frame(tic=1:3,tac=c("pim","pam","poum"))
summary(x)

data(iris)
iris[1:6,]
head(iris)
summary(iris)</pre>
```

Entrés, sorties et graphiques

Jeux de données disponibles sous R

Fonction data()

R dispose d'un ensemble de jeux de données directement utilisables. La fonction data() permet de les lister puis de les charger

Remarques

- La description d'un jeu de données est accessible dans l'aide
- L'installation de nouveaux packages permet souvent d'acceder à de nouveaux jeux de données

```
data()
data(iris)
?iris
head(iris)
```

Gestion des fichiers et répertoires

Gestion des chemins

- La fonction getwd() indique le répertoire de travail courant
- ▶ La fonction setwd() permet de définir un nouveau répertoire de travail

```
getwd()
setwd("/Users/cdalmasso/Cyril/0_Skmac/Enseignement/2017_2017
```

- Les raccourcis suivants peuvent être utilisés :
 - '~' est remplacé par le chemin du répertoire de l'utilisateur
 - '.' est remplacé par le chemin du répertoire courant
 - '..' est remplacé par le répertoire parent du répertoire courant

Gestion des fichiers et répertoires

Gestion des répertoires

- ► Les fonctions dir() et list.files() permettent de connaître le contenu d'un répertoire.
- La fonction dir.create() permet de créer un nouveau répertoire

Gestion des fichiers et répertoires

Gestion des fichiers

Certaines opération de base peuvent être réalisées sur les fichiers à l'aide des fonctions file.create(), file.remove(), file.rename(), file.copy(), file.append(), ...

Fichiers binaires

Fonctions save() et load()

- ► La fonctions save() sauvegarde un ensemble d'objets R dans un fichier binaire
- La fonction load() permet de les recharger

```
x <- rnorm(10); y <- "toto"
save(x,y,file="objetsxety.RData")
rm(x,y) # -> supprime les objets x et y
ls() # -> liste tous les objets de l'environnement
load(file="objetsxety.RData")
ls()
```

Lecture de fichiers

Fonction read.table()

- ► La fonction read.table() permet de lire un fichier formaté sous forme de table et de le convertir sous la forme d'un objet data.frame
- Examiner au préalable le formatage du fichier à l'aide d'un éditeur de texte afin de paramétrer les nombreuses options disponibles

Lecture de fichiers

Fonctions read.csv() et read.delim()

► Les fonctions read.csv() et read.delim() sont des raccourcis pour la fonction read.table()

```
vignes <- read.delim("baies_raisin.txt")
head(vignes)</pre>
```

Sous RStudio, il est possible d'utiliser les menus

Ecriture de fichiers

Fonctions write.table(), write.csv(), write.delim()

- ► La fonction write.table() permet d'exporter un data.frame dans un fichier.
- ► Les fonctions write.csv(), write.delim() sont des raccourcis pour la fonction write.table

Fonction plot

La fonction plot est une fonction générique dont le comportement dépend du type d'objets auxquels elle s'applique

```
data(iris); attach(iris); iris[1:5,]
plot(Sepal.Length)
plot(Sepal.Length~Species)
plot(Sepal.Length~Sepal.Width)
plot(iris)
plot(hist(Sepal.Length))
plot(lm(Sepal.Length~Sepal.Width))
```

Options graphiques

La liste de nombreuses options graphiques applicables à la plupart des fonctions graphiques peut être obtenue par la fonction par ()

Ajouter...

- une légende : legend
- des droites : abline
- des courbes : lines (voir aussi la fonction curve() pour tracer le graphe d'une fonction)

Rediriger la sortie graphique

```
Il est possible d'exporter les graphiques à l'aide des fonctions
png(), pdf(), jpeg(), bmp(), tiff()
```

```
png(file="legraphe.png")
curve(sqrt,from=0,to=2,col="dodgerblue")
dev.off()
```

Ouverture/fermeture de fenêtre

- Ouverture d'une nouvelle fenêtre avec les fonctions X11() (Linux, mac OS), quartz() (mac OS) ou windows() (Windows)
- ► Fermeture d'une fenêtre graphique avec la fonction dev.off()

```
quartz()
plot(1:5)
dev.off()
```

Découpage de fenêtres

- Découpage d'une fenêtre avec les fonctions
 - par(mfrow=c(n,m))
 - layout()

```
par(mfrow=c(2,2))
plot(1:5); barplot(1:5); hist(1:5); boxplot(1:5)

layout(matrix(c(1,2,3,4),2,2))
plot(1:5); barplot(1:5); hist(1:5); boxplot(1:5)
layout(matrix(c(1,2,3,3),2,2))
plot(1:5); barplot(1:5); boxplot(1:5)
layout(matrix(c(0,1,2,3),2,2),c(1,2),c(2,1.5))
plot(1:5); barplot(1:5); boxplot(1:5)
```

Le package ggplot2

data("iris")

```
plot(iris[,1:4])
library(GGally)
ggpairs(iris,columns=1:4,mapping=ggplot2::aes(color=Species)
vignes <- read.table("baies_raisin.txt",sep="\t",header=TRU
boxplot(volume.baie..cm3..2008~Population,data=vignes)
library(ggplot2)
qplot(Population,volume.baie..cm3..2008,data=vignes,geom="base")</pre>
```

Barplots avec intervalles de confiance

Diagrammes de Venn

```
donnees <- matrix(sample(c(TRUE,FALSE),3000,replace=TRUE),1
library(VennDiagram)
venn.diagram(data.frame(donnees),filename="testvenn.png")
library(limma)
quartz()
a <- vennCounts(donnees)
vennDiagram(a,cex=1.5,lwd=2,circle.col=c("blue","green","re</pre>
```

Introduction à la programmation en R

Structures de contrôle

Regrouper les expressions

Syntaxe :

```
{exprs1; exprs2; exprs3}
# ou
{
   exprs1
   exprs2
   exprs3
}
```

 Remarque : Toutes les instructions sont effectuées mais seule la dernière valeur est retournée

Structures de contrôle

Regrouper les expressions

Exemples:

```
a <- 10
exprs1 <- {a <- 2; b <- 3; c <- a+b }
exprs1
a; b</pre>
```

Structures de contrôle

Executions conditionnelles: if, if/else, ifelse

Syntaxe :

```
if(coindition){
  exprs1
} else {
  exprs2
}

ifelse(condition,a,b)
```

 Remarque : chacune des expressions peut elle-même être une expression conditionnelle

```
Executions conditionnelles: if, if/else, ifelse
 Exemples :
x \leftarrow rnorm(1); x
if(x>=0){
  y \leftarrow sqrt(x)
} else{
  y <- 5
У
#ou
y \leftarrow ifelse(x>=0, sqrt(x), 5); y
```

```
Executions répétées : for, while, repeat
 Syntaxe :
for (var in set){
  expr(var)
while (condition) {
  exprs
repeat{
  exprs
 Remarques :
```

privilégier les opérateurs matriciels (apply, etc)

break est la seule manière d'interrompre une boucle {repeat}

```
Executions répétées : for, while, repeat

> Exemples :

v <- numeric(5)
for(i in list(matrix(1:4,2,2),"toto")){
  print(i)
  #v[i] <- 2*i
}
v</pre>
```

```
Executions répétées : for, while, repeat
 Exemples:
i <- 0
repeat{
  if(i>10){
    break
  } else{
    print(i)
    i <- i+1
```

Définir une fonction

► Syntaxe :

```
nomdelafonction <- function(arg1,arg2,...){
  expression
  return(res)
}</pre>
```

Remarque : return peut être omis (à éviter) : dans ce cas, la dernière valeur calculée est renvoyée

Définir une fonction

Exemple:

```
mafonction <- function(x){
  z <- x-5
  y <- 3*x+5
  return(y)
}
yres <- mafonction(2)
mafonction(c(3,1,7))</pre>
```

Définir une fonction

- Remarques :
 - Les arguments peuvent être passés dans le désordre s'ils sont nommés : arg=valeur
 - On peut définir des valeurs par défaut pour n'importe quel argument lors de la création de la fonction
 - ► En cas de résultats multiples, les résultats doivent être renvoyé sous forme de liste

```
mafonction <- function(x,a=3,b=5){
  y <- a*x+b
  z <- x^2
  res <- list(res1=y,res2=z)
  return(res)
}
mafonction(2)
mafonction(b=4,x=1,a=6)
mafonction(7,2,4)</pre>
```

Fonctions anonymes

Ce sont des fonctions qui ne portent pas de nom. Elles sont définies à la volée lors de l'utilisation (généralement avec des fonctions de type apply)

```
x <- matrix(1:4,2,2)
apply(x,2, function(vecteur){mean(vecteur)+100} )</pre>
```

Principe général

Construction de graphiques par assemblage de couches.

Eléments de la grammaire ggplot2 :

- des données (data)
- de types de représentations graphiques (geom)
- un système de coordonnées (coord)
- des propiétés esthétiques (aes)
- des transformations statistiques (stats)
- des échelles (scale)
- des regroupements de données (facet)

Etapes de la construction d'un graphique

- 1. Préparation des données
- 2. Initialisation du graphique (fonction ggplot)
- Ajout de calques (fonctions geom_* et stat_*)
- 4. Eléments complémentaires

Syntaxe

```
ggplot(data = <DATA>, mapping = aes(<MAPPINGS>) ) +
<GEOM_FUNCTION>(stat = <STAT>, position = <POSITION>) +
<COORDINATE_FUNCTION> +
<FACET_FUNCTION>
```

Exemples

```
ggplot(diamonds, aes(x=price, y=volume)) +
  geom point()
ggplot(diamonds,
       aes(x=price,y=volume,color=cut,shape=cut)) +
  geom_point()
ggplot(diamonds, aes(x=price, y=volume, color=cut)) +
  geom_point() +
  geom_smooth(method=lm)
ggplot(diamonds, aes(x=price, y=volume, color=cut)) +
  geom point() +
  geom smooth(method=lm) +
  coord cartesian(vlim = c(0, 600))
```

Exemples (suite)

```
ggplot(diamonds, aes(x=cut, y=price,color=cut)) +
  geom_boxplot()

ggplot(diamonds) +
  geom_boxplot(aes(x=cut, y=price,color=cut))

ggplot(diamonds) +
  geom_violin(aes(x=cut, y=price,color=cut))
```

Aide-mémoire

https://thinkr.fr/pdf/ggplot2-french-cheatsheet.pdf