

Mikael Falconnet
271 Avenue Daumesnil
75012 Paris
France

Né le 19 Janvier 1983
à Brest (France)

Tel. : +33/0 6 23 66 48 63
mikael.falconnet@gmail.com

Postes occupés

- | | |
|----------------------|---|
| Depuis sept. 2011 | <i>Université d'Évry Val d'Essonne, France – CNRS</i>
Maître de conférence bénéficiaire d'une chaire d'excellence CNRS d'une durée de cinq ans au sein du laboratoire Statistique et Génome. |
| Avril–Août 2011 | <i>Technische Universität München, Deutschland</i>
Assistant dans l'équipe de Probabilités (responsable Prof. Nina Gantert). |
| Sept. 2010–Mars 2011 | <i>Westfälische Wilhelms-Universität Münster, Deutschland</i>
Postdoctorat dans un projet interdisciplinaire entre l'institut de mathématiques (responsable Prof. Nina Gantert) et l'institut pour l'évolution et la biodiversité de Münster (responsables Prof. Erich Bornberg-Bauer et Kai Müller). |
| Sept. 2007–Août 2010 | <i>Université de Grenoble, France</i>
Allocataire moniteur normalien à l'institut Fourier. |

Formation

- | | |
|-----------|---|
| 2007–2010 | <i>Université de Grenoble</i>
Doctorat : <i>Sur deux problèmes mathématiques de reconstruction phylogénétique</i> . Dirigée par Didier Piau, Professeur à l'institut Fourier, Grenoble. Soutenue le 9 juillet 2010, devant le jury composé de B. Prum, M. Steel, A. Bar-Hen, G. Besson, M. Gouy et D. Piau. |
| 2006–2007 | <i>ENS Cachan – Université de Grenoble 1</i>
Master 2 recherche en mathématiques (<i>Mention Bien</i>), option probabilités et statistiques. |
| 2005–2006 | <i>ENS Cachan – Université de Rennes 1</i>
Agrégation de Mathématiques (<i>Rang : 108/290</i>) |
| 2003–2005 | <i>Université de Grenoble 1</i>
Licence puis Maîtrise de Mathématiques (<i>Mention Très Bien</i>).
Reçu au concours d'entrée de l' ENS Cachan . |

Thèmes de recherche

Processus de Markov : modèles markoviens pour l'évolution de l'ADN, systèmes de particules en interaction.

Reconstruction phylogénétique : estimation de longueurs de branches, statistiques bayésiennes.

Publications

FALCONNET M. and BEHRENS S. (2011) (accepted for publication in Journal of Computational Biology).
Accurate estimations of evolutionary times in the context of strong CpG hypermutability.

FALCONNET M. (2010). Priors for the Bayesian star paradox,
Mathematical Biosciences, 228(1) : 90-99.

FALCONNET M. (2010). Phylogenetic distances for neighbour dependent substitution processes,
Mathematical Biosciences, 224(2) : 101-108.

Enseignements

2011–2012	<i>Université d'Évry Val d'Essonne</i> Cours : Rappels de probabilités et analyse de séquences biologiques pour des étudiants de M2 (20h, en anglais). Travaux dirigés : analyse de séquences biologiques pour des étudiants de M2 (10h). Cours : Chaînes de Markov et analyse de séquences pour des étudiants de L3 (16.5h).
2010–2011	<i>Technische Universität München</i> Travaux dirigés : Théorie des probabilités pour des étudiants de troisième année (40h, en anglais).
2009–2010	<i>Université de Grenoble 1</i> Cours et Travaux dirigés : Introduction à l'algèbre linéaire pour des étudiants de première année (76h).
2007–2009	<i>Université de Grenoble 1</i> Travaux dirigés : Introduction à l'algèbre linéaire pour des étudiants de première année (2×64h).

Langues

Français : Langue maternelle
Anglais : Bonne maîtrise
Allemand, Espagnol : niveau intermédiaire

Compétences informatiques

Logiciels de calcul (Maple, Matlab, Scilab), Programmation (C, Python), logiciels de bureau (Word, Excel).
Maîtrise de \LaTeX , Linux.